

读
后
感

蛋白质组学技术的飞速发展，催生了海量数据。这些数据的收集、存储、整理和分析给生物信息学带来了挑战。在这些方面，国内相关的生物信息学研究有了一定的研究基础，但在相关知识的普及教育方面非常欠缺，最明显的是国内尚没有一本蛋白质组信息学的专著。国内正需要这样一本深入浅出、全方位介绍比较蛋白质组数据处理的科学读本，能在基础与应用层面上起到指引的作用。但凡科学离不开技术，但凡数据离不开分析。特别在眼下生命科学研究组学化、组学研究系统化的大趋势下，国内蛋白质组学的瓶颈已不再是仪器和实验，而是实验设计和数据分析。引入该书对加强、提升我国蛋白组学数据分析能力，着力于突破目前的瓶颈会起到巨大的推动作用。

——贺福初 军事医学科学院

作为《分子生物学方法™》系列丛书，该书提供了细致的、步步渐进式的描述，以及在具体实施上的建议。这些对于在实验中获得理想的结果至关重要。本书内容全面、易于使用，对所有希望了解蛋白质组学数据分析和系统生物学层面上比较蛋白质组学的生物信息学数据库、工具、新计算方法及未来发展趋势的读者都有所裨益。本书每章都由相关领域的权威专家撰写，反映了相关领域的最高学术水平。

关于作者

- Cathy H. Wu

美国特拉华州纽瓦克市，特拉华大学，特拉华生物技术研究计算机与信息科学系

- Chuming Chen

美国特拉华州纽瓦克市，特拉华大学，特拉华生物技术研究计算机与信息科学系



科学出版中心 生物分社
联系电话：010-64012501
E-mail: lifescience@mail.sciencep.com
网 址: http://www.lifescience.com.cn

销售分类建议：分子生物学 / 生物信息学

www.sciencep.com

ISBN 978-7-03-036990-1



定 价：120.00元