



高等教育出版社与 World Scientific 公司合作出版
海外发行 ISBN: 978-1-84816-924-1

生物信息计算是在生命科学的研究中,以计算机为工具对生物信息进行储存、检索和分析的科学,是当今生命科学和自然科学的重大前沿领域之一。本书重点集中在基因组学和蛋白质组学两方面,分 12 章介绍:序列数据资源及其检索、蛋白质序列数据库、序列比对与比对搜索、真核生物基因结构的预测分析、分子进化分析、蛋白质结构数据库和结构可视化、蛋白质结构与功能预测、微阵列数据分析、系统生物学网络结构分析等内容,并对 Gene Ontology 数据库、KEGG 数据库及基因功能注释、R 语言及 Bioconductor 进行了简述和应用示例。

本书是计算机科学、生物信息学以及统计学的知识综合,可供相关领域的专业人员参考使用,也可用于生物学、计算机科学专业的教学。



学科分类:生物电子学与生物信息处理
<http://academic.hep.com.cn>

