

Bioinformatics for Omics Data  
Methods and Protocols

# 组学数据生物信息学

## 研究方法与实验方案

本书的目录和前言已经译成中文，正文部分保留英文原版。另附北京大学生命科学学院罗静初教授所作精彩导读一篇。

本书特邀本领域专业研究人员撰写，以便向读者提供一本实用指南。本书向读者展示了一个全新的研究领域——组学数据生物信息学。这一新领域交汇并整合了分子生物学、应用信息学和统计学等不同学科。

本书内容十分详尽，全书分为三大部分。首先介绍组学数据的基本分析策略、标准化、管理指南，以及基础统计学等。接着，按基因组、转录组、蛋白质组、代谢组等不同专题介绍各种数据的特定分析策略。最后，以疾病相关生物标记和靶标鉴定等为例，说明组学生物信息学的具体应用。本书秉承Springer《分子生物学方法》系列丛书的一贯风格，阐述明晰、便于使用，各章包括专题简介、必备材料、易于操作的实验方案、疑难问题的注意事项，以及如何避免常见错误。

本书既具权威性，又力求通俗易懂，可作为不同专业背景研究人员的理想指南，也为读者描绘了本研究领域引人入胜的图景。

### 本书特点

- 为组学生物信息学这一全新研究领域的读者提供具体指导和启发
- 提供了许多计算分析的应用实例，可供科研人员分析组学数据时参考

科学出版社 科爱传播

<http://www.kbooks.cn>  
[editor@kbooks.cn](mailto:editor@kbooks.cn)

销售分类建议：生物学/生物信息学

本版本只限于在中华人民共和国境内销售

[www.sciencep.com](http://www.sciencep.com)

ISBN 978-7-03-035930-8



定价：178.00 元