

Protein Networks and Pathway Analysis

蛋白质网络与途径分析

本书的目录和前言已经译成中文，正文部分保留英文原版。另附中国医科院基础医学研究所博士生导师高友鹤教授所作导读一篇。

从组学的生物时代开始，科学家一直追求的是降低基因组规模实验的复杂性，以便于了解其蕴含的基本生物学原理。在《蛋白质网络与途径分析》这本书中，专家从业人员汇编了函数数据分析的方法，经常被称为系统生物学，它被应用于药物研发、医学和基础医学领域的研究中。本书分为三部分：1) 对蛋白质、化合物和基因之间相互作用的阐述；2) 介绍了网络、相互作用组和本体论研究中常用的分析工具；3) 函数分析的应用范围。作为非常著名的《分子生物学方法》系列丛书之一，本书提供了详细的说明，并且为动手实践提供了建议。

权威和前沿的《蛋白质网络与途径分析》既阐明了生物实验室实验方法，又介绍了相关计算工具，涵盖了这个令人着迷的新兴领域中大多数的问题。

本书特点

- 由该领域的顶尖研究人员全面广泛地介绍了函数数据分析的实验和分析方法
- 从二元相互作用信息的收集到建立算法和模型，从多个方面详细地介绍了生物学网络
- 提供一个现实研究中可用的现代系统生物学方法指南
- 广泛地覆盖了基于细胞的实验形式和系统
- 为实验设计提出了模块化方法，涵盖了模式生物系统、筛选模式、检测技术和数据分析方法
- 高通量筛选中基于细胞实验的设计、执行和分析的全面指南

科学出版社 科爱传播

<http://www.kbooks.cn>

editor@kbooks.cn

销售分类建议：生物学/生物信息学、系统生物学

本版本只限于在中华人民共和国境内销售

www.sciencep.com

ISBN 978-7-03-035928-5



9 787030 359285 >

定 价：145.00 元